# Figure 1: Complete Plasmid Sequence of ARP-11018

>ARP-11018 lot 170208 complete plasmid sequence (8623 base pairs)

GCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTTAACGCGAATTAATTCTGTGGAATGTGTGTCAGTTAGGGTGTGGAAAGTCCCCAGGCTCCCCAGCAGGCAGAAGTATGCAAAGCATGCATCTCAATTAGTCAGCAACCAGGTGTGGAAAGTCCCCAGGCTCCCCAGCAGGCAGAAGTATGCAAAGCATGCATCTCAATTAGTCAGCAACCATAGTCCCGCCCCTAACTCCGCCCATCCCGCCCCTAACTCCGCCCAGTTCCGCCCATTCTCCGCCCCATGGCTGACTAATTTTTTTTATTTATGCAGAGGCCGAGGCCGCCTCTGCCTCTGAGCTATTCCAGAAGTAGTGAGGAGGCTTTTTTGGAGGCCTAGGCTTTTGCAAAAAGCTCCCGGGAGCTTGTATATCCATTTTCGGATCTGATCAAGAGACAGGATGAGGATCGTTTCGCATGATTGAACAAGATGGATTGCACGCAGGTTCTCCGGCCGCTTGGGTGGAGAGGCTATTCGGCTATGACTGGGCACAACAGACAATCGGCTGCTCTGATGCCGCCGTGTTCCGGCTGTCAGCGCAGGGGCGCCCGGTTCTTTTTGTCAAGACCGACCTGTCCGGTGCCCTGAATGAACTGCAGGACGAGGCAGCGCGGCTATCGTGGCTGGCCACGACGGGCGTTCCTTGCGCAGCTGTGCTCGACGTTGTCACTGAAGCGGGAAGGGACTGGCTGCTATTGGGCGAAGTGCCGGGGCAGGATCTCCTGTCATCTCACCTTGCTCCTGCCGAGAAAGTATCCATCATGGCTGATGCAATGCGGCGGCTGCATACGCTTGATCCGGCTACCTGCCCATTCGACCACCAAGCGAAACATCGCATCGAGCGAGCACGTACTCGGATGGAAGCCGGTCTTGTCGATCAGGATGATCTGGACGAAGAGCATCAGGGGCTCGCGCCAGCCGAACTGTTCGCCAGGCTCAAGGCGCGCATGCCCGACGGCGAGGATCTCGTCGTGACCCATGGCGATGCCTGCTTGCCGAATATCATGGTGGAAAATGGCCGCTTTTCTGGATTCATCGACTGTGGCCGGCTGGGTGTGGCGGACCGCTATCAGGACATAGCGTTGGCTACCCGTGATATTGCTGAAGAGCTTGGCGGCGAATGGGCTGACCGCTTCCTCGTGCTTTACGGTATCGCCGCTCCCGATTCGCAGCGCATCGCCTTCTATCGCCTTCTTGACGAGTTCTTCTGAGCGGGACTCTGGGGTTCGCGAAATGACCGACCAAGCGACGCCCAACCTGCCATCACGAGATTTCGATTCCACCGCCGCCTTCTATGAAAGGTTGGGCTTCGGAATCGTTTTCCGGGACGCCGGCTGGATGATCCTCCAGCGCGGGGATCTCATGCTGGAGTTCTTCGCCCACCCCAACTTGTTTATTGCAGCTTATAATGGTTACAAATAAAGCAATAGCATCACAAATTTCACAAATAAAGCATTTTTTTCACTGCATTCTAGTTGTGGTTTGTCCAAACTCATCAATGTATCTTATCATGTCTGTATACCGTCGACCTCTAGCTAGAGCTTGGCGTAATCATGGTCATAGCTGTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCTCACAATTCCACACAACATACGAGCCGGAAGCATAAAGTGTAAAGCCTGGGGTGCCTAATGAGTGAGCTAACTCACATTAATTGCGTTGCGCTCACTGCCCGCTTTCCAGTCGGGAAACCTGTCGTGCCAGCTGCATTAATGAATCGGCCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTGCGTATTGGGCGCTCTTCCGCTTCCTCGCTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTCGTTCGGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCGGTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAGAACATGTGAGCAAAAGGCCAGCAAAAGGCCAGGAACCGTAAAAAGGCCGCGTTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTCCGCCCCCCTGACGAGCATCACAAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACAGGACTATAAAGATACCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCGACCCTGCCGCTTACCGGATACCTGTCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCTCATAGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCGGTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGTGTGCACGAACCCCCCGTTCAGCCCGACCGCTGCGCCTTATCCGGTAACTATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTGGTAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTACGGCTACACTAGAAGAACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAAAGAGTTGGTAGCTCTTGATCCGGCAAACAAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTGTTTGCAAGCAGCAGATTACGCGCAGAAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTCTACGGGGTCTGACGCTCAGTGGAACGAAAACTCACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCAAAAAGGATCTTCACCTAGATCCTTTTAAATTAAAAATGAAGTTTTAAATCAATCTAAAGTATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTACCAATGCTTAATCAGTGAGGCACCTATCTCAGCGATCTGTCTATTTCGTTCATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGTGTAGATAACTACGATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCCCCAGTGCTGCAATGATACCGCGAGACCCACGCTCACCGGCTCCAGATTTATCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGTCCTGCAACTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAAGCTAGAGTAAGTAGTTCGCCAGTTAATAGTTTGCGCAACGTTGTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTCACGCTCGTCGTTTGGTATGGCTTCATTCAGCTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACATGATCCCCCATGTTGTGCAAAAAAGCGGTTAGCTCCTTCGGTCCTCCGATCGTTGTCAGAAGTAAGTTGGCCGCAGTGTTATCACTCATGGTTATGGCAGCACTGCATAATTCTCTTACTGTCATGCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCATTCTGAGAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCCCGGCGTCAATACGGGATAATACCGCGCCACATAGCAGAACTTTAAAAGTGCTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACTCTCAAGGATCTTACCGCTGTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGATCTTCAGCATCTTTTACTTTCACCAGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGCAAAATGCCGCAAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAATGTTGAATACTCATACTCTTCCTTTTTCAATATTATTGAAGCATTTATCAGGGTTATTGTCTCATGAGCGGATACATATTTGAATGTATTTAGAAAAATAAACAAATAGGGGTTCCGCGCACATTTCCCCGAAAAGTGCCACCTGACGTCGACGGATCGGGAGATCTCCCGATCCCCTATGGTGCACTCTCAGTACAATCTGCTCTGATGCCGCATAGTTAAGCCAGTATCTGCTCCCTGCTTGTGTGTTGGAGGTCGCTGAGTAGTGCGCGAGCAAAATTTAAGCTACAACAAGGCAAGGCTTGACCGACAATTGCATGAAGAATCTGCTTAGGGTTAGGCGTTTTGCGCTGCTTCGCGATGTACGGGCCAGATATACGCGTTGACATTGATTATTGACTAGTTATTAATAGTAATCAATTACGGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATATGGAGTTCCGCGTTACATAACTTACGGTAAATGGCCCGCCTGGCTGACCGCCCAACGACCCCCGCCCATTGACGTCAATAATGACGTATGTTCCCATAGTAACGCCAATAGGGACTTTCCATTGACGTCAATGGGTGGAGTATTTACGGTAAACTGCCCACTTGGCAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGTACGCCCCCTATTGACGTCAATGACGGTAAATGGCCCGCCTGGCATTATGCCCAGTACATGACCTTATGGGACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTCATCGCTATTACCATGGTGATGCGGTTTTGGCAGTACATCAATGGGCGTGGATAGCGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAAGTCTCCACCCCATTGACGTCAATGGGAGTTTGTTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAAATGTCGTAACAACTCCGCCCCATTGACGCAAATGGGCGGTAGGCGTGTACGGTGGGAGGTCTATATAAGCAGAGCTCTCTGGCTAACTAGAGAACCCACTGCTTACTGGCTTATCGAAATTAATACGACTCACTATAGGGAGACCCAAGCTGGCTAGTTAAGCTTGGTACCGAGCTCGGATCCAGTACCCTTCACCGGCTTAGGCATCTCCTATGGCAGGAAGAAGAGGAGACAACGACGAAGAGCTCCTCCAGGCAGTCAGACTCATCAGGCTTCTCTATCAACACAGTAAGTAGTACATGTAATGCAATCCTTACAAGTAGTAGCAATAGTAGTATTAGTAGTAGTAACAATAATAGCAATAGTTGTGTGGACAATAGTACTCATAGAATATAGGAAAATATTAAAACAAAGAAAAATAAACAGGATACTTGATAGAATAAGAGAAAGAGCAGAAGACAGTGGCAATGAGAGTGAAGGGGATCAGGAGGAATTGGCAGGGCTTGTGGAGATGGGGCACGATGCTCCTTGGAATGTTGATGATCTGTAGGGCTGCAGAAAACTTGTGGGTCACAGTCTATTATGGGGTACCTGTGTGGAAAGAAGCAACCACCACTTTATTTTGTGCATCAGATGCTAAAGCATATGAGACAGAGAAACATAATGTCTGGGCCACACATGCCTGTGTACCCACAGACCCCAACCCACAAGAAGTAGTATTGGGAAATGTGACAGAAAATTTTAACATGTGGAAAAATAACATGGTAGAACAGATGCATGAGGATATAATCAGTTTATGGGATGAAAGCCTAAAGCCATGTGTAAAATTAACCCCACTCTGTGTTACTTTGAACTGCACTGATGAAGTGAAGACTAGTTATGCTAATAAGACTTCTAATGAGACTTATAAGACTTCTAATGAGACTTTTGGAGAAATAAAAAACTGCTCTTTCAGTGTCCCCACAGGCATAAAAGATAAGGTGCAGAATGTATATGCACTTTTTTATAAACTTGATGTAATACCAATAGATGATAATAATAATAGTAGCAAGAATAATAACGGTAGCTATAGTAGCTATAGATTGATAAATTGTAATACCTCAGTCATTACACAGGCCTGTCCAAAGGTGTCCTTTGAACCAATTCCCATACATTATTGTGCCCCGGCTGGTTTTGCAATTCTAAAATGTAATAATAAGACATTCAATGGAACAGGACCATGTACAAATGTCAGCACAGTACAATGTACACATGGGATTAGACCAGTAGTGTCAACTCAACTGCTGTTAAATGGCAGTCTAGCAGAAGAAGAGGTAGTAATTAGATCTGAAAATTTCACGAACAATGCTAAAACCATAATAGTACATCTGAAGAAATCTGTAGAAATTAATTGTACAAGGCCCGGCAACAATACAAGAAAAAGCATACATATAGGACCAGGGAGAGCATTTTATGCTACAGGAGACATAATAGGAGATATAAGACAAGCACATTGTAACCTTAGTAGTGTACAATGGAATGACACTTTAAAACAGATAGTTATAAAATTAGGAGAACAATTTGGGACTAATAAAACAATAGCCTTTAATCAATCCTCAGGAGGGGACCCAGAAATTGTAATGCACAGTTTTAATTGTGGAGGAGAATTTTTCTACTGTAATACAACACAACTATTTAATAGTACTTGGGAGTTTCATGGTAATTGGACAAGGTCAAATTTCACAGAATCAAATAGCACAACTATCACACTCCCATGTAGAATAAAACAAATTGTAAACATGTGGCAGGAAGTAGGCAAAGCAATGTATGCCCCTCCCATCAGAGGACAAATTAGATGTTCATCAAATATCACGGGGCTGCTATTAACAAGAGATGGTGGCGTGAACGGGACCCGCGAGACCTTTAGACCTGGAGGAGGAGATATGAGGGACAATTGGAGAAGTGAATTATATAAATATAAAGTGGTAAAAATTGAGCCATTAGGAGTAGCACCCACCAAGGCAAAGAGAAGAGTGGTGCAGAGAGAAAAAAGAGCAGTGGGAACAATAGGAGCTATGTTCCTTGGGTTCTTGGGAGCAGCAGGAAGCACTATGGGCGCAGCGTCAATAACGCTGACGGTACAGGCCAGACAATTATTGTCTGGTATAGTGCAACAGCAAAACAATTTGCTGAGAGCTATTGAGGCGCAACAGCATATGTTGCAACTCACGGTCTGGGGCATCAAACAGCTCCAAGCAAGAGTCCTGGCTGTGGAAAGATACCTAAGGGACCAACAGCTCCTAGGGATTTGGGGTTGCTCTGGAAAACTCATTTGCACCACTGCTGTGCCTTGGAATGCTAGTTGGAGTAATAAATCTCAAGATTACATTTGGAATAACATGACCTGGATGCAGTGGGATAAAGAGATTAACAATTACACAAACTTAATATACTCCTTACTTGAAGACTCGCAAAACCAGCAAGAAAAGAATGAACATGAATTATTAGAATTGGACAAATGGGCAAGTTTGTGGAATTGGTTTGACATAACAAGATGGCTGTGGTATATAAAAATATTCATAATGATAGTAGGAGGCTTGATAGGTTTAAGAATAGTTATTGCTGTAGTTTCCATAGTGAATAGGGTTAGGCAGGGATACTCACCAATATCATTACAGACCCACTTCCCAGCACCGCGGGGACCCGACAGGCCCGAAGGAATCGAAGAAGGAGGTGGAGACAGAGACAGAGACAGATCACTGCGATTAGTGCATGGATCCTTAGCACTCATCTGGGACGATCTGAGGAGCCTGTGCATCTTCAGCTACCACCGCTTGAGAGACTTACTCTTGATTGTAGCGAGGGTTGTGGAAATTCTGGGACGCAGGGGGTGGGAAGCCCTCAAGTATTGGTGGAATCTCCTGCAGTATTGGAGTCAGGAACTGAAGAATAGTGCTGTTAGCTTGCTTGATGCCACAGCTATTGCAGTAGCTGAGGGGACAGATAGGATTATAGAAATAATACGAAGAGCTTTTAGAGCTATCCTCCACATACCTACAAGAATAAGACAGGGCTTGGAAAGGGCTTTGCTATAACATGGGTGGCAAGTGGTCAAAAAGTAGTGTAGTTGGATGGCCTGCTATAAGGGAAAGAATGAAACGAGCTGAGCCAGCAGCAGAAGGGGTGGGAGCAGCATCTCGAGACCTAGAGGAGGAGAGTGAGGTGGGTTTCCCAGTCAAACCTCAGGTACCTTTAAGACCAATGACTTACAAGGGAGCTGTAGATCTTAGCCACTTTTTAAAAGAAAAGGGGGGACTGGAAGGGCTAAAGGGTCAAGACAATTCTGCAGATATCCAGCACAGTGGCGGCCGCTCGAGTCTAGAGGGCCCGCGGTTCGAAGGTAAGCCTATCCCTAACCCTCTCCTCGGTCTCGATTCTACGCGTACCGGTCATCATCACCATCACCATTGAGTTTAAACCCGCTGATCAGCCTCGACTGTGCCTTCTAGTTGCCAGCCATCTGTTGTTTGCCCCTCCCCCGTGCCTTCCTTGACCCTGGAAGGTGCCACTCCCACTGTCCTTTCCTAATAAAATGAGGAAATTGCATCGCATTGTCTGAGTAGGTGTCATTCTATTCTGGGGGGTGGGGTGGGGCAGGACAGCAAGGGGGAGGATTGGGAAGACAATAGCAGGCATGCTGGGGATGCGGTGGGCTCTATGGCTTCTGAGGCGGAAAGAACCAGCTGGGGCTCTAGGGGGTATCCCCACGCGCCCTGTAGCGGCGCATTAAGCGCGGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTACACTTGCCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTCGCTTTCTTCCCTTCCTTTCTCGCCACGTTCGCCGGCTTTCCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCTTTACGGCACCTCGACCCCAAAAAACTTGATTAGGGTGATGGTTCACGTAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCTTGTTCCAAACTGGAACAACACTCAACCCTATCTCGGTCTATTCTTTTGATTTATAAGGGATTTTGCCGATTTCG

# Figure 2: Plasmid Map of ARP-11018

****