# Figure 1: Complete Plasmid Sequence of HRP-11747

>HRP-11747 lot 70066960 complete plasmid sequence (13,829 base pairs)

taattgtcaatttctttttcccactgcatccaggtcatgttattccaaattgTATCCAGAGATTTATTACTCCAACTACTATTCCAAGGCACAGCAGTGGTGCAAATGAGTTTTCCAGAGCAACCCCAAATCCCTAGGAGCTGTTGATCCCTTAGGTATCTTTCTACAGCCAGGACTCTTGCCTGGAGCTGCTTGATGCCCCAGACTGTGAGTTGCAACAGATGCTGTTGCGCCTCAATAGCCCTCAGCAGATTGTTCTGCTGTTGCACTATACCAGACAATAATTTTCTGGCCTGTACCGTCAGCGTTATTGACGCTGCGCCCATAGTGCTTCCTGCTGCTCCTAAGAACCCAAGGAACACAGCTCCTATTCCTATTGCTCTTTTTTCTCTCTGCACCACTCTTCTCTTTGCCTTGGTGGGTGCTACTCCTAATGGTTCAATTCTTACTACTTTATATTTATATAATTCACTTCTCCAATTATCTTTCATATTTCCTCCTCCAGGTCTGAAGAATTCTGTGGTGTTGTTGGTGGTTTTACCACCATCTCTTGTTAATAGCAACCCTGTAATATTTGATGAGCATTTAATTTGTCCTTCGATGGGAGGGGCATACATTGCTTTTCCTACTTCTTGCCACCTATTTATAATTTGTTTTATTCTGCATTGGAGTATGATAATCCCTTCCGTGTTATTTGCTCTTTTAGTACTATTCCAGGTTCCATTAAACAGTTTTGATGTATTACAGTAGAAAAATTCCCCTCCACAGTTAAAACTGTGCATTGTAACTTCTGGGTCCCCTCCTGAGGATTGATTAAAGACTATTATTGTTTTATTAAATTGTTCTTTTAATTTTTCAGTTATCTGTTTTAAAGTGTTATTCCATTTTGCTTCACTAATGTTACAATATGCTTTTCTTATATCTCCTATTATATCTCCTGTTGCATACCAGGCTCTCCCTGGTCCTATATGTATACTTTTCCTTGTATTGTTGTGGGGTCTTGTACAATTAATTGGTACAGATTCATTTAGTTGTACTATTATGATTTTAGCATTGTCCGAGAAATTTTTAGATCTAATTACTACCTCTTCTTCTGCTAGACTGCCATTTAGCAGCAGTTGAGTTGATACTACTGGCCTAATTCCATGTGTGCATTGTACTGTGCTGACATTTGTACATGATCCTGTTCCATTGAACTTCTTATCATTACATTTTAGAATCGCAAAACCAGCCGGGGCACAATAATGTATGGGAATTGGCTCAAAGGATATCTTTGGACATGCCTGGGTAATGACTGAAGTATTACAACTTATCAACCTATAGCTGGTATTACTATTATCTATTGGTGCTACATCAAGCTTATAAAAAAATGCACGTTCTTTTTTCTTATCTCCCGTTGCTGTGGTGATATTGAAAGAGCAGTTCTTCATTTCTCCTCCCTCTATCGTTTCCTCTTTACTAATAGTGGTATTATTACTATTAGTGGTATTCCAATCAGTGCCATTCGTCCAATCAGTGCAATTTAAAGTGACACAGAGTGGGGTTAGTTTTACACATGGTTTTAGGCTTTGATCCCATAAACTAATTATATCTTCATGCATCTGTTCTACCATGTTATTTTTCCACATGTCAAAATATTCTGTTACATTTTCCAATACTAATTCTTGTGGGTTGGGGTCTGTGGGTACACAGGCATGTGTGGCCCAAACATTATGTACCTCTGTCTCATAAGCTTTAGCATCTGATGCACAAAATAAAGTGGTGGTTGCTTCTTTCCACACAGGTACCCCATAATAAACTGTGACCCACAATTTTTCTGTAGCATTACAGATCATCAATATCCCAAGGAGCATCATGCCCATGGTGCCCCATCTCCACAAGTGCTGATAATTCTTCCTGATCCCCATCACTCTCATTGCCACTGTCTTCTGCTCTTTCTAGTATTCTATCAACTAGCCTGTCTATTTTTCTTTGTCTTAATATTTTCCTATATTCTATGAATACTATGGACCAAATAACTATTACTATTATTGCTGCTACTACTAATGCTACTATTGATGCTATTACTAAAGGTGACATTACATGTACTACTTACTGCTCTGGTAGATAAGCTTGATCAGTCTGACTGTTCTGAGGAGCTCTTCGTCGCTGTCTCCGCTTCTTCCTGCCATAGGAGATGCCTAAGGCTTTTGTTGTGAAACAAACTTGGCAATGAAAGCAACACTTTTTACAATAGCAATTGGTACAAGCAGTCCTAGGCTGGCTTCCTGGATGCTTCCAGGGCTCTAGTCTAGGATCTACGGGCTCCATTCCTTGCTCTCCTCTGTGGAGAAATGCCTATTCTGCTATGTCGGCACCCAATTCTGAAATGAGTAAACAGCAGTCGTTGCAGCATTGTTATTAAGGCTTCCACTCCTGCCCAAGTATCCCCATAAGTTTCATAGATATATTGCCCTAAGCCATGAAGCCACATCCTAGGAAAATGTCTAACAGCTTCATTCTTAAGCTCCTCTAAAAGTTCTAGTGCCCATTCATGATATGGTTCCCTCTGCGGCCCTTGGTCTTCTGGGGCTTGTTCCATCTATCCTCTGTCAGTTTCGCAACACTAGGCAAAGGTGGCTTTCTCTTCTTTTGTGCTATTAATGCTGTTAGTGCCAAGTATTGTAGAGATCCTACCTTGGTATGTCCTGCTTGATATTCACACCTAGGTCTAACTCTATGTCCTAATATGGCACTTCTTATAGCAGACTCTGAAAAACAATCAAAGTAATGCATATGAATTAGTTGGTCTGCTAGGCCAGGGTCTACTTGTGTGCTATATCTCCTTTTCCTCCATTCTATGGAGACTCCCTGACCCAAATGCCAATCTCTTTCTCCTGTATGCAGACCCCAATATGTTGTTATTACCAATCTAGCATCCCCTAGTGGAATGTGTACTTCTGAACTTATTTTTGGATGATGGCTTTCATAGTGATGTCTATAAAACCATCCCTTAGCTTTCTTTGAAATATACATATGGTGTTTTACTAAACTGTTCCATGTTCTAATCCTCATCCTGTCTACTTGCCACACAATCATCACCTGCCATCTGTTTTCCATAATCCCTAATGATCTTTGCTTTTCTTCTTGGCACTACTTTTATGTCACTATTATCTTGTATTACTACTGCCCCTTCACCTTTCCAGAGAAGCTTTGCTGGTCCTTTCCAAAGTGGATCTCTGCTGTCCCTGTAATAAACCCGAAAATTTTGAATTTTTGTAATTTGTTTTTGTAATTCTTTAGTTTGTATGTCTGTTGCTATTATGTCTATTATTCTTTCCCCTGCACTGTACCCCCCAATCCCCCCTTTTCTTTTAAAATTGTGGATGAATACTGCCATTTGTACTGCTGTCCTAAGATGTTCAGCCTGATCTCTTACCTGTCCTATAATTTTCTTTAATTCTTTATTCATAGATTCTACTACTCCTTGACTTTGGGGATTGTAGGGAATGCCAAATTCTTGCTTGATCCCCGCCCACCAACAGGCAGCCTTAACTACAGTACTGGTGAAATTGCTGCCATTGTCTGTATGTATTGTTTTTACTGGCCATCTTCCTGCTAGTTTTAGGAGAAAGTATGCTGTTTCTTGCCCTGTCTCTGCTGGAATAACTTCTGCTTCTATATATCCACTGGCCACATGAACTGCTACCAGGATAATTTTTCCTTCTAAATGTGTACAATCTAGCTGCCATATTCCTGGACTACAGTCTACTTGTCCATGCATGGCTTCTCCTTTTAGCTGACATTTATCACAGCTGGCTACTATTTCTTTTGCTACCACAGGTGGCAGGTTAAAATCACTAACCATTGCTCTCCAATTGCTGTGATATTTCTCATGTTCTTCTTGGGCCCTGTCTATTCCATCTAGAAATAGTACTTTCCTGATTCCAGCACTGACTAATTTATCTACTTGTTCATTTCCTCCAATTCCTTTGTGTGCTGGTACCCATGCCAAGTAGACCTTTTCCTTCTTTATTAACTGCTCTATTATTTGATTGACTAACTCTGATTCACTTTTATCTGGTTGTGCTTGAATGATTCCTAATGCATACTGTGAGTCTGTTACTATGTTTACTTCTGATTCTGAATCCTGCAAAGCTAGATGAATTGCTTGTAACTCAGTCTTCTGATTTGTTGTGTCAGTTAGGTGGACAGCCTTTTGTTTTCCTCTGTCAGTAACATATCCTGCTTTGCCTAATTTAGTTTCCCTATTAGCTGCCCCATCTACATAGAAAGTTTCTGCTCCTACTATGGGCTCTTTCTCTAACTGGTACCATAATTTCACTAAGGGAGGGGTATTGACAAACTCCCACTCAGGAATCCAGGTAGCTTGCCAATACTCTGTCCACCATGTCTCCCATGTTTCTTTTTGTATGGGTAATCTAAATTTAGGAGTCTTACCCCATATTACTATGCTTTCTGTGGCTATTTTTTGCACTGCCTCTGTTAATTGTTTTACATCATTAGTGTGGGTACCCCTCATTTTTGCATATTTCCCTGTTTTCAGATTTTTAAATGGCTCTTGATAAATTTGATATGTCCATTGGCCTTGCCCCTGCTTCTGAATTTCTGCTATTAAGTCTTTTGATGGATCATAATACGCTCCATGTACTGGTTCTTTTAAAATCTCCCTGTTTTCTGCCAGTTCTAGCTCTGCTTCTGTTGTTAATGAAATTACTTCTGTTAGTGCTTTGGTTCCCCTAAGGAGCTTACACAATTGCTTTACTTTAATCCCTGGGTAAATCTGACTTGCCCAATTTAATTTTCCCACTAACTTCTGTATGTCATTGACAGTCCAGCTGTCTTTTTCTGGCAGCACTATAGGCTGTACTGTCCATTTATCAGGATGGAGTTCATAACCCATCCAAAGGAATGGAGGTTCTTTCTGATGCTTTTTGTCTGGTGTGGTAAGTCCCCACTTCAAGAGATGTTGTCTCAGTTCCTCTATTTTTGTTCTATGCTGCCCTATTTCTAAGTCCGATCCTACATACAAATCATCCATGTATTGATAGATAACTATGTCTGGATTTTGTTTTCTAAAAGGCTCTAAGATTTTTGTCATGCTGCATTGGAATATTGCTGGTGATCCTTTCCATCCCTGTGGAAGCACATTATACTGATACCTAATCCCTGGTGTCTCATTGTTTATACTAGGTATGGTAAATGCAGTATACTTCCTGAATTCTTTGTCTAAGGGGACTGAAAAATATGCATCACCTACATCCAGCACTGTTACTGATTTTTTCTTTTTTAACCCTGCAGGATGTGGTATTCCTAATTGAACTTCCCAGAAGTCTTGAGTTCTCTTATTAAGTTCTCTGAAATCTACTAATTTTCTCCATTTAGTACTGTCCTTTTTCTTTATGGCAAATACTGGAGTATTGTATGGATTTTCAGGCCCTACTTTTGAAATTTTTCCTTCCTTTTCCATTTCTGTACAAATTTCTACTAATGCTTTTATTTTTTCTTCTGTCAGTGGCCATTGTTTAACTCTTGGGCCATCCATTCCTGGCTTTAATTTTACTGGTACAGTTTCAATAGGACTAATGGGGAAATTTAGAGTGCAACCAAGCTGAGTCAACAGATTTCTTCCAATTATGTTGACAGGTGTAGGTCCTACTAATACTGTACCAATAGCTCTATGTCCACAGATTTCTATGGGTATCTGATCATACTGTCTTACTTTGATAAAACCTCCAATTCCCCCTATCATTTTTGGTTTCCATCTTCCTGGCAAATCCATTTCTTCTAATACTGTATCATCTGCTCCTGTATCTAATAGAGCTTCCTTTAGTTGCCCCCCTATCCTTATTGTGACGATGGGTCGTTGCCAAAGAGTGATCTGAGGGAAGTCAAAGGATATAGTTCCTTGTCTATTGGCTCCTGCTTCTGAGAGGGAGTTGTTGTCTCTTCCCCAAACCTGAAGCTCTCCTCTGGTGGGGCTGTTGGCTCTGGTCTGTTCTGAAGAAAATTCCCTGGCCTCCCCTTGGAGGAAGGCCAGATCTTCCCTAAAAAATTAGCCTGTCTTTCAGTACAATCTTTCATTTGGTGTCCTTCCTTTCCACATTTCCAACAGCCCTTTTTTCTAGGGGCCCTGCAATTTTTAGATATATGCCCCTCTTTGCCACAATTGAAACACTTAACAGGCTTTCTTTGGTTTCTAAAATTACCTTTCTGCATCATTATAGCAGTTGAATTTGTTACCTGGCTCATTGCTTCAGCCAAAATTCTTGCTTTATGGCCAGGTCCTCCCACTCCCTGACATGCTGTCATCATTTCTTCTAGTGTAGCTGCTGGTCCTAATGCTTTTAAGATAGTCTTACAATCTGGGTTCGCATTTTGGACCAACAAGGTTTCTGTCATCCAATTTTTTACATCCTGTGAAGCTTGCTCGGCTCTTAGAGTTTTATAGAACCGGTCTACATAGTCTCTAAAGGGTTCCTTTGGTCCTTGTCTTATGTCCAGAATGCTAGTTGGGCTATACATTCTTACTATTTTATTTAACCCTAGGATTATCCATCTTTTATAGATGTCTCCTACTGGGATAGGTGGATTATGTGTCATCCATCCTATTTGTTCCTGAAGGGTACTAGTAGTTCCTGCTATGTCACTTCCCCTTGGTTCTCTCATCTGGCCTGGTGCAACAGGCCCTGCTTGCACTGGATGCAATCTATCCCACTCTGCAGCTTCCTCATTGATGGTATCTTTTAACATTTGCATGGCTGCTTGATGTCCCCCCACTGTGTTTAACATGGTGTTTAAATCTTGTGGGGTGGCTCCTTCTGATAATGCTGAAAACATGGGTATTACTTCCGGGCTGAAAGCCTTCTCTTCTACCACTTTTACCCATGCATTTAAAGTTCTAGGTGATATGGGCTGATGTACCATTTGCCCCTGGATGTTCTGCACTATAGGGTAATTTTGGCTGACCTGGCTGCTGTTTCCTGTGTCAGCTACTGCTTGTTGTGCCTTTTTCTTACTTTTGTTTTGCTCTTCCTCTATTTTTTCTAAAGCTTCCTTGGTGTCTTGTACCCCTATCTTCTGATGCACACAATAGAGGACTGCTACTGTATTATATAATGATTTAAGCTCTTCTGATCCTGTCTGAAGGGACGGTTGTAGCTGTCCCAGTATCTGTCTACACCCTTCTGATGTTTCTAACAGGCCAGGGTTAACTGCGAATCGTTCTAGCTCCCTGCTTGCCCATACTACATGTTTTAATCTATATTTTTTCTTTCCCCCTGGCCTTAACCGAATTTTTTCCCATCTATCTAATTCTCCCCCGCTTAATACTGACGCTCTCGCACCCATCTCTCTCCTTCTAGCCTCCGCTAGTCAAAAAATTTTTGGCGTACTCACCAGTCGCCGCCCCTCGCCTCTTGCCGCGCGCGCTTCAGCAAGCCGAGTCCTGCGTCGAGAGAGCTCCTCTGGTTTCTCTTTCGCTTTCGGGTCCCTGTTCGGGCGCCACTGCTAGAGATTTTCCACACTGACTAAAATGGTCTGAGGGATCTCTAGTTACCAGAGTCACACAACAGACGGGCACACACTACTTAATGCACTCAAGGCAAGCTTTATTGAGGCTTAAGCAGTGGGTTCCCTAGCTAGCCAGAGAGCTCCCAGGCTCAGATCTGGTCTAACCAGAGAGACCCAGTACAGGCAGAAAGCAGCTGCTTATATGCAGCATCTGAGGGCTCGCCACTCCCCTGTCCCGCCCAGGCCACACCTCCCCTGGAAAGTCCCCAGCGGAAAGTCCCTTGTAGAAAGCTCGCTGTCAGCAGTCCTTGTAACGCTGTCAGCAGTCCTTGTAGTAATCCGGATACAGCTCTCGGGCCTTGTGCTGAAATGCTAGCATGCTGTCAAACTTCCACATTAACACTTCTTTCTCTGGGTCATCCATCCCATGTTGGCTCATAGGGTGTAACAAGCAGTTATTCTCTCCTTCATTGGCCTTCTCTACCTCATCTGGATCAACTGGTACTAGCTTGAAGCACCATCCAAAGGTCAGTGGATATCTGATCCCTGGCCCTGGCGTATAGTTACCCCAATCAGGGAAATAGCCTTGTGTGTGGTAGATCCACAGATCAAGGATCTCTTGTCTTTTCTGGGAGTAAATTAGCCCATCCAACGCGTGGTGAAGGGCGAATTCTGCAGATATCCATCACACTGGCGGCCGCGGGCCCTCGAGGTACCACGCGTGAATTCTTGAAGACGAAAGGGCCTCGTGATACGCCTATTTTTATAGGTTAATGTCATGATAATAATGGTTTCTTAGACGTCAGGTGGCACTTTTCGGGGAAATGTGCGCGGAACCCCTATTTGTTTATTTTTCTAAATACATTCAAATATGTATCCGCTCATGAGACAATAACCCTGATAAATGCTTCAATAATATTGAAAAAGGAAGAGTATGAGTATTCAACATTTCCGTGTCGCCCTTATTCCCTTTTTTGCGGCATTTTGCCTTCCTGTTTTTGCTCACCCAGAAACGCTGGTGAAAGTAAAAGATGCTGAAGATCAGTTGGGTGCACGAGTGGGTTACATCGAACTGGATCTCAACAGCGGTAAGATCCTTGAGAGTTTTCGCCCCGAAGAACGTTTTCCAATGATGAGCACTTTTAAAGTTCTGCTATGTGGCGCGGTATTATCCCGTGTTGACGCCGGGCAAGAGCAACTCGGTCGCCGCATACACTATTCTCAGAATGACTTGGTTGAGTACTCACCAGTCACAGAAAAGCATCTTACGGATGGCATGACAGTAAGAGAATTATGCAGTGCTGCCATAACCATGAGTGATAACACTGCGGCCAACTTACTTCTGACAACGATCGGAGGACCGAAGGAGCTAACCGCTTTTTTGCACAACATGGGGGATCATGTAACTCGCCTTGATCGTTGGGAACCGGAGCTGAATGAAGCCATACCAAACGACGAGCGTGACACCACGATGCCTGCAGCAATGGCAACAACGTTGCGCAAACTATTAACTGGCGAACTACTTACTCTAGCTTCCCGGCAACAATTAATAGACTGGATGGAGGCGGATAAAGTTGCAGGACCACTTCTGCGCTCGGCCCTTCCGGCTGGCTGGTTTATTGCTGATAAATCTGGAGCCGGTGAGCGTGGGTCTCGCGGTATCATTGCAGCACTGGGGCCAGATGGTAAGCCCTCCCGTATCGTAGTTATCTACACGACGGGGAGTCAGGCAACTATGGATGAACGAAATAGACAGATCGCTGAGATAGGTGCCTCACTGATTAAGCATTGGTAACTGTCAGACCAAGTTTACTCATATATACTTTAGATTGATTTAAAACTTCATTTTTAATTTAAAAGGATCTAGGTGAAGATCCTTTTTGATAATCTCATGACCAAAATCCCTTAACGTGAGTTTTCGTTCCACTGAGCGTCAGACCCCGTAGAAAAGATCAAAGGATCTTCTTGAGATCCTTTTTTTCTGCGCGTAATCTGCTGCTTGCAAACAAAAAAACCACCGCTACCAGCGGTGGTTTGTTTGCCGGATCAAGAGCTACCAACTCTTTTTCCGAAGGTAACTGGCTTCAGCAGAGCGCAGATACCAAATACTGTCCTTCTAGTGTAGCCGTAGTTAGGCCACCACTTCAAGAACTCTGTAGCACCGCCTACATACCTCGCTCTGCTAATCCTGTTACCAGTGGCTGCTGCCAGTGGCGATAAGTCGTGTCTTACCGGGTTGGACTCAAGACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGGTCGGGCTGAACGGGGGGTTCGTGCACACAGCCCAGCTTGGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTACAGCGTGAGCTATGAGAAAGCGCCACGCTTCCCGAAGGGAGAAAGGCGGACAGGTATCCGGTAAGCGGCAGGGTCGGAACAGGAGAGCGCACGAGGGAGCTTCCAGGGGGAAACGCCTGGTATCTTTATAGTCCTGTCGGGTTTCGCCACCTCTGACTTGAGCGTCGATTTTTGTGATGCTCGTCAGGGGGGCGGAGCCTATGGAAAAACGCCAGCAACGCGGCCTTTTTACGGTTCCTGGCCTTTTGCTGGCCTTTTGCTCACATGTTCTTTCCTGCGTTATCCCCTGATTCTGTGGATAACCGTATTACCGCCTTTGAGTGAGCTGATACCGCTCGCCGCAGCCGAACGACCGAGCGCAGCGAGTCAGTGAGCGAGGAAGCGGAAGAGCGCCTGATGCGGTATTTTCTCCTTACGCATCTGTGCGGTATTTCACACCGCATATGGTGCACTCTCAGTACAATCTGCTCTGATGCCGCATAGTTAAGCCAGTATACACTCCGCTATCGCTACGTGACTGGGTCATGGCTGCGCCCCGACACCCGCCAACACCCGCTGACGCGCCCTGACGGGCTTGTCTGCTCCCGGCATCCGCTTACAGACAAGCTGTGACCGTCTCCGGGAGCTGCATGTGTCAGAGGTTTTCACCGTCATCACCGAAACGCGCGAGGCAGCTGCGGTAAAGCTCATCAGCGTGGTCGTGAAGCGATTCACAGATGTCTGCCTGTTCATCCGCGTCCAGCTCGTTGAGTTTCTCCAGAAGCGTTAATGTCTGGCTTCTGATAAAGCGGGCCATGTTAAGGGCGGTTTTTTCCTGTTTGGTCACTGATGCCTCCGTGTAAGGGGGATTTCTGTTCATGGGGGTAATGATACCGATGAAACGAGAGAGGATGCTCACGATACGGGTTACTGATGATGAACATGCCCGGTTACTGGAACGTTGTGAGGGTAAACAACTGGCGGTATGGATGCGGCGGGACCAGAGAAAAATCACTCAGGGTCAATGCCAGCGCTTCGTTAATACAGATGTAGGTGTTCCACAGGGTAGCCAGCAGCATCCTGCGATGCAGATCCGGAACATAATGGTGCAGGGCGCTGACTTCCGCGTTTCCAGACTTTACGAAACACGGAAACCGAAGACCATTCATGTTGTTGCTCAGGTCGCAGACGTTTTGCAGCAGCAGTCGCTTCACGTTCGCTCGCGTATCGGTGATTCATTCTGCTAACCAGTAAGGCAACCCCGCCAGCCTAGCCGGGTCCTCAACGACAGGAGCACGATCATGCGCACCCGTGGCCAGGACCCAACGCTGCCCGAGATGCGCCGCGTGCGGCTGCTGGAGATGGCGGACGCGATGGATATGTTCTGCCAAGGGTTGGTTTGCGCATTCACAGTTCTCCGCAAGAATTGATTGGCTCCAATTCTTGGAGTGGTGAATCCGTTAGCGAGGTGCCGCCGGCTTCCATTCAGGTCGAGGTGGCCCGGCTCCATGCACCGCGACGCAACGCGGGGAGGCAGACAAGGTATAGGGCGGCGCCTACAATCCATGCCAACCCGTTCCATGTGCTCGCCGAGGCGGCATAAATCGCCGTGACGATCAGCGGTCCAATGATCGAAGTTAGGCTGGTAAGAGCCGCGAGCGATCCTTGAAGCTGTCCCTGATGGTCGTCATCTACCTGCCTGGACAGCATGGCCTGCAACGCGGGCATCCCGATGCCGCCGGAAGCGAGAAGAATCATAATGGGGAAGGCCATCCAGCCTCGCGTCGCGAACGCCAGCAAGACGTAGCCCAGCGCGTCGGCCGCCATGCCGGCGATAATGGCCTGCTTCTCGCCGAAACGTTTGGTGGCGGGACCAGTGACGAAGGCTTGAGCGAGGGCGTGCAAGATTCCGAATACCGCAAGCGACAGGCCGATCATCGTCGCGCTCCAGCGAAAGCGGTCCTCGCCGAAAATGACCCAGAGCGCTGCCGGCACCTGTCCTACGAGTTGCATGATAAAGAAGACAGTCATAAGTGCGGCGACGATAGTCATGCCCCGCGCCCACCGGAAGGAGCTGACTGGGTTGAAGGCTCTCAAGGGCATCGGTCGACGCTCTCCCTTATGCGACTCCTGCATTAGGAAGCAGCCCAGTAGTAGGTTGAGGCCGTTGAGCACCGCCGCCGCAAGGAATGGTGCATGCAAGGAGATGGCGCCCAACAGTCCCCCGGCCACGGGGCCTGCCACCATACCCACGCCGAAACAAGCGCTCATGAGCCCGAAGTGGCGAGCCCGATCTTCCCCATCGGTGATGTCGGCGATATAGGCGCCAGCAACCGCACCTGTGGCGCCGGTGATGCCGGCCACGATGCGTCCGGCGTAGAGGATCCTGCTAGAGATTTTCCACACTGACTAAAATGGTCTGAGGGATCTCTAGTTACCAGAGTCACACAACAGACGGGCACACACTACTTAATGCACTCAAGGCAAGCTTTATTGAGGCTTAAGCAGTGGGTTCCCTAGCTAGCCAGAGAGCTCCCAGGCTCAGATCTGGTCTAACCAGAGAGACCCAGTACAGGCAGAAAGCAGCTGCTTATATGCAGCATCTGAGGGCTCGCCACTCCCCTGTCCCGCCCAGGCCACACCTCCCCTGGAAAGTCCCCAGCGGAAAGTCCCTTGTAGAAAGCTCGCTGTCAGCAGTCCTTGTAACGCTGTCAGCAGTCCTTGTAGTAATCCGGATACAGCTCTCGGGCCTTGTGCTGAAATGCTAGCATGCTGTCAAACTTCCACATTAACACTTCTTTCTCTGGGTCATCCATCCCATGTTGGCTCATAGGGTGTAACAAGCAGTTATTCTCTCCTTCATTGGCCTTCTCTACCTCATCTGGATCAACTGGTACTAGCTTGAAGCACCATCCAAAGGTCAGTGGATATCTGATCCCTGGCCCTGGCGTATAGTTACCCCAATCAGGGAAATAGCCTTGTGTGTGGTAGATCCACAGATCAAGGATCTCTTGTCTTTTCTGGGAGTAAATTAGCCCATCCAGTCCCCCCTGTTCTTTTAAAAAGTGGCTAAGATCTAGAGCTCCCTTAAAAGTCATTGGTCTTAAAGGTACCTGAGGTCTGACTGGAAACCCCACGTCCTCATCTTCTTGTGCTTCTAGCCAAGCACAAGTATCATTGTTAGCTGGTGTATTGTTAATTGTGACTGCTCCACGTTGATCCAAGTCTCGAGATACTGCTCCCACCCCATCTGCTGCTGGCTCAACTCTTCTCATTCTCTCTCTTACTTTAGGCCATCCAACCACACTCCTTTTTGACCACTTGCCACCCATCTTATTGCAAAGCCCTTTCTGCGCCCTGTCTTATTCTTCTAGGTATGTTGAGAATAGCTCTACCAATTCTTTGCACTACTTCTATAATCCTATCTGTCCCCTCAGCTACTGCTATAGCTGTAGCATTAAGCAAACTAACAGCACTATTCCTTAGTTCCTGACCCCAATACTGCAGGAGATTCCACCAATATTTGAGGGCTTCCCACCCCCTGCGTCCCAGAAGTTCCACAATCCTCGCTGCAATCAAGAGTAAGCCTCTCAAGTGGTGGTAGCTGAAGAGGCACAGGCTCCGCAGGTCGACCCAGATAATTGCTAAGAATCCATCCACTAATGGTCTGGATCTGCCGTTGTCTCTCTCTCCACCTTCTTCTTCGATTCCTCCGGGCCTGTCGGGTCCCCTCGAGTTTGGGAGGTGGGTCTGGAACGACAAAGGTGAGTATCCCTGCCTAACTCTATTCACTATAGAAAGTACAGCAAAAACTATTCTCAAACCTACCAAGCCCCCTACTATCATTATGAATATTTTTATATACCACAGCCAATTTGTTATGTCAAACCAATTCCACAAACTTGCCCATTGATCCAATTTCAATAAGTCTAGTTCATTCTTTTCTTGTTGGATCTGCGATTCTTCAATTAAGGTGTATATTAACCCTGTG

# Figure 2: Plasmid Map of HRP-11747

